**Ensamblado y caracterización de un transcriptoma de referencia de *Eragrostis curvula* para la identificación de posibles precursores y blancos de miRNAs.**

Ingrid Garbus

CERZOS – UNS/CONICET

Dilucidar las bases moleculares de la apomixis, genera especial atención en relación a la posible transferencia del carácter a especies de interés agronómico. Acercarnos a esta meta requiere de una comprensión más profunda de los mecanismos regulatorios del carácter. En *E. curvulaK,* la regulación de la apomixis involucra mecanismos epigenéticos de silenciamiento génicos. Para contribuir a esclarecer estos mecanismos, adoptamos como estrategia la identificación y caracterización de la fracción de pequeños RNAs obtenidos a partir de inflorescencias de genotipos apomícticos y sexuales, lográndose así la identificación de subgrupos de sRNAs expresados diferencialmente en relación al modo reproductivo. Para sortear la limitación causada por la escasa información disponible acerca del transcriptoma de la especie y nula acerca del genoma, se obtuvo, validó y caracterizó un transcriptoma de referencia de *E. curvula*. Este transcriptoma posibilitó la identificación de los blancos probables y precursores de miRNAs, así como la identificación de nuevos miRNAs. El modo apomíctico de reproducción ha surgido independientemente en varias especies durante la evolución de las plantas, requiriéndose en muchas oportunidades desarrollos experimentales específicos. La existencia de genotipos naturales sexuales y apomícticos de *E. curvula* hizo muy valioso nuestro sistema de estudio. Las genotecas de miRNA y cDNA obtenidas son de utilidad para la caracterización de genes y sus mecanismos de silenciamiento asociados a la apomixis y otros caracteres agronómicos de interés.